

Pierre-Loup JAN
9 place des halles
79170 Chizé, France
pierreloup.jan@gmail.com
28 ans

C.V.

TRAVAUX DE RECHERCHE

- Octobre 2018 – Octobre 2020** **Révéler comment la glace de mer et les fluctuations climatiques affectent les oiseaux plongeurs arctiques: une approche démographique** – *CEBC/CNRS, Chizé*
Modélisation de dynamique des populations incluant des variables environnementales
- Juillet-Août 2018** **Effet des infrastructures linéaires de transports sur les flux de gènes des populations de Petit rhinolophe** – *Naturalia environnement/MNHN, Rennes*
Analyses de génétique des populations (Structure génétique, Assignation de parenté et aux populations...)
- Février – Avril 2018** **Modélisation de la dispersion entre colonies chez le Petit rhinolophe** – *Zoologisches Institut und Museum, Greifswald, Allemagne*
Modélisation bayésienne de dynamique des populations
- Octobre 2014 – Décembre 2017** **Étude non invasive de la dynamique et de la génétique des populations chez une chauve-souris forestière : impact de la qualité de l'habitat et de la connectivité (Thèse)** – *UMR Ecologie et Santé des Ecosystèmes, Rennes*
Extraction d'ADN, PCR et génotypage (Microsatellites – 12500 échantillons)
Analyses de génétique des populations (Diversité génétique, Équilibre d'Hardy-Weinberg, Isolement par la distance, Goulot d'étranglement...)
Modélisation bayésienne de dynamique des populations
Inférence multi-modèles
- Janvier - Août 2014** **Comprendre le fonctionnement des populations chez le nématode à kyste *Heterodera schachtii* à partir d'un échantillonnage temporel de la variabilité génétique. (Stage)** – *UMR Institut de Génétique, Environnement et Protection des Plantes, Le Rheu*
Travail de terrain
Extraction d'ADN, PCR et génotypage (Microsatellites)
Analyses de génétique des populations (Diversité génétique, Équilibre d'Hardy-Weinberg, Isolement par la distance, Taille efficace des populations...)
- Juin - Juillet 2013** **Origine du déficit en hétérozygotes chez différentes populations de nématodes (Stage)** - *UMR Institut de Génétique, Environnement et Protection des Plantes, Le Rheu*
Analyses de génétique des populations (Diversité génétique, Équilibre d'Hardy-Weinberg, Allèles nuls, Consanguinité/Effet Wahlund...)
- Avril - Juin 2013** **Etude d'olfactométrie sur l'importance des boutons floraux du colza pour *Meligethes aeneus*. (Stage)** - *UMR Institut de Génétique, Environnement et Protection des Plantes, Le Rheu*
Travail de terrain
Expériences et analyses d'écologie comportementale

FORMATION UNIVERSITAIRE

- September 2012 – June 2014** **Master Écologie Fonctionnelle, Comportementale et Évolutive - Université de Rennes 1**
Sujets étudiés : dynamique des populations, écologie comportementale et évolutive, génétique des populations, statistiques, systèmes d'information géographique, écologie fonctionnelle, écologie des communautés.
Classement : 5/23
- September 2009 – June 2012** **Licence de Biologie - ICES, La Roche-sur-Yon**
Sujets étudiés : biochimie, écologie, biologie animale, biologie végétale, géologie, statistiques, biologie cellulaire, mathématiques, physique, chimie, biologie humaine, méthodologie scientifique, génétique, physiologie animale, physiologie végétale.
Major de promotion. Dernier semestre passé dans une université anglophone au Canada
-

ENSEIGNEMENT

Années scolaires 2018-2019 et 2019-2020

Vacations – *Institut Catholique de Vendée - 18 heures par an*
Initiation à la recherche – Niveau L3 : construction des cours/TP, présentation des cours, encadrement des TP, corrections des TP et examens.

Années scolaires 2014-2015 et 2015-2016

Missions d'enseignement - *Université de Rennes 1- 64 heures par an*
Statistiques appliquées à la biologie – Niveau L2 à M1 : présentation des TD, encadrement des TD/TP, corrections des TP et examens.
Génétique des populations – Niveau M2 : construction des cours/TP, présentation des cours, encadrement des TP, corrections des TP et examens.

PUBLICATIONS

Montarry, J., **Jan, P. L.**, Gracianne, C., Overall, A. D., Bardou-Valette, S., Olivier, E., ... & Petit, E. J. (2015). Heterozygote deficits in cyst plant-parasitic nematodes: possible causes and consequences. *Molecular ecology*, **24** (8), 1654-1677.

Jan, P. L., Gracianne, C., Fournet, S., Olivier, E., Arnaud, J. F., Porte, C., ... & Petit, E. J. (2016). Temporal sampling helps unravel the genetic structure of naturally occurring populations of a phytoparasitic nematode. 1. Insights from the estimation of effective population sizes. *Evolutionary applications*, **9** (3), 489-501.

Gracianne, C., **Jan, P. L.**, Fournet, S., Olivier, E., Arnaud, J. F., Porte, C., ... & Petit, E. J. (2016). Temporal sampling helps unravel the genetic structure of naturally occurring populations of a phytoparasitic nematode. 2. Separating the relative effects of gene flow and genetic drift. *Evolutionary applications*, **9** (8), 1005-1016.

Jan, P. L., Farcy, O., Boireau, J., Le Texier, E., Baudoin, A., Le Gouar, P., ... & Petit, E. J. (2017). Which temporal resolution to consider when investigating the impact of climatic data on population dynamics? The case of the lesser horseshoe bat (*Rhinolophus hipposideros*). *Oecologia*, **184** (4), 749-761.

Jan, P. L.*, Zarzoso-Lacoste, D.*, Lehnen, L., ... & Petit, E. J. (2018) Combining noninvasive genetics and a new mammalian sex-linked marker provides new tools to investigate population size, structure and individual behaviour: an application to bats. *Molecular ecology resources*. **18** (2), 217-228

Montarry, J., Bardou-Valette, S., Mabon, R., **Jan, P. L.**, ... & Petit, E. J. (2018) Exploring the causes of small effective population sizes in cyst nematodes using artificial *Globodera pallida* populations. *Proceedings of the Royal Society B*, **286**(1894), 20182359.

Jan, P. L.*, Lehnen, L.*, Besnard, A. L., Kerth, G., Biedermann, M., Schorcht, W., ... & Puechmaille, S. J. (2019). Range expansion is associated with increased survival and fecundity in a long-lived bat species. *Proceedings of the Royal Society B*, **286**(1906), 20190384.

Jan, P. L.*, Zarzoso-Lacoste, D.*, Fourcy, D., Baudouin, A.... & Petit, E. J. (Preprint submitted) Population-level sensitivity to landscape variables reflects individual-based habitat selection in a woodland bat species. *Submitted to PCI Ecology*, doi: 10.1101/752733

*: Co-premiers auteurs

DIVERS

Langues étrangères

Anglais: écrit, lu, parlé. (Six mois vécus au Canada – Echanges et voyage réguliers chez des collaborateurs étrangers)

Informatique

Utilisation courante du logiciel R (Statistiques, programmation, analyses de génétique des populations), formé sur ArcGis (SIG), Ethovision (Ethologie), Winbugs et JAGS (Modélisation bayésienne), U-CARE et E-SURGE (Modélisation de dynamique de population) et sur différentes analyses de génétique des populations. (Genetix, Fstat, Structure, Genepop, Colony, MSVar ...)

Expérience associative

Ancien membre du cercle naturaliste des étudiants rennais